

Führen Sie eine Klassifizierung des Hefe DNA Experiments durch. Versuchen Sie eine Partitionierung mittels k-means Clustering und stellen Sie die Cluster in einem beliebigen Scatterplot verschiedenfarbig dar. Die Anzahl der Cluster soll 2, 3 und 4 betragen. *kmeans()*

Führen Sie eine k-means Clusterung anhand des durch PCA auf drei Dimensionen reduzierten Datensatzes durch, siehe Übung 9. Die Anzahl der Cluster ist gleich wie im obigen Experiment.

---